

Instytut Biochemii i Biofizyki PAN zatrudni osobę do realizacji projektu „Identyfikacja nowych elementów i ścieżek degradacji ludzkiego RNA mitochondrialnego za pomocą wysokoprzepustowych przeszukiwań biblioteką siRNA pokrywającą cały genom” finansowanego przez Narodowe Centrum Nauki. Zespół, którego kierownikiem jest dr Roman Szczęsny, będzie realizował projekt w Pracowni Biologii RNA i Genomiki Funkcjonalnej (<http://adz.ibb.waw.pl/>).

Pracownik będzie uczestniczył w badaniach funkcjonalnych mających na celu poznanie mechanizmów degradacji ludzkiego RNA mitochondrialnego. Modelem badawczym są ludzkie komórki hodowane in vitro. Wyjściowym przedmiotem badań jest degradosom mitochondrialny – kompleks składający się z RNA helikazy hSuv3 oraz fosforybonukleazy PNPazy. Wiadomo, że kompleks ten jest niezbędny do kontroli jakości RNA mitochondrialnego. Jego główną funkcją jest usuwanie RNA niekodującego. Badania prowadzone w ramach projektu mają na celu zidentyfikować czynniki regulujące aktywność degradosomu lub alternatywne ścieżki degradacji. Aby zidentyfikować takie białka przeprowadzamy wysokoprzepustową transfekcję komórek ludzkich biblioteką siRNA (zawiera siRNA dla ~18000 genów), a następnie przeprowadzamy obrazowanie przy użyciu zautomatyzowanej mikroskopii fluorescencyjnej. Wykorzystujemy techniki biologii komórkowej oraz molekularnej. Poszukujemy osoby, która zna metody analizy danych z RNAseq i/lub ma umiejętność opanowania niezbędnego zakresu tych zagadnień lub osoby zainteresowane poznaniem mechanizmów degradacji ludzkiego RNA mitochondrialnego. Znajomość innych metod bioinformatycznych, pakietu R, zamiłowanie do analiz danych będzie bardzo dużym atutem. Oferujemy udział w ciekawym projekcie badawczym, w dobrze wyposażonym laboratorium.

#### Warunki zatrudnienia:

- Planowany okres rozpoczęcia pracy: **1 grudnia 2016** (istnieje możliwość uzgodnienia terminu rozpoczęcia pracy)
- Forma zatrudnienia: **umowa o pracę na czas określony**
- Planowany okres zatrudnienia: **do końca 2017 roku (w tym 3-miesięczny okres próbny)**
- Wynagrodzenie: 6000 PLN netto miesięcznie (w rozliczeniu rocznym) dla osoby ze stopniem doktora, 3000 PLN netto miesięcznie (w rozliczeniu rocznym) dla osoby ze stopniem magistra
- Kierownik PBRiGF: **prof. dr hab. Andrzej Dziembowski**
- Kierownik projektu: **dr Roman J. Szczęsny**

#### Wymagania:

- Wykształcenie wyższe: biologia, biotechnologia, lub pokrewne
- Umiejętność samokształcenia, dobra organizacja pracy, systematyczność, samodzielność
- Zamiłowanie do analizy danych, poszukiwania korelacji i związków przyczynowo skutkowych
- Doświadczenie w pracy w laboratorium biologii molekularnej i/lub komórkowej i/lub bioinformatyce i/lub statystycznej analizie danych

#### Dodatkowym atutem będzie:

- Udział w badaniach związanych z metabolizmem RNA, ekspresją genów
- Zamiłowanie do analiz bioinformatycznych
- Znajomość (lub możliwość samodzielnego opanowania) metod analizy danych uzyskanych przy użyciu wysokoprzepustowego sekwencjonowania bibliotek RNA.
- Doświadczenie w eksperymentach z użyciem siRNA, doświadczenie w użyciu mikroskopii fluorescencyjnej
- Doświadczenie zdobyte podczas stażu/praktyk w różnych laboratoriach
- Uzyskanie nagrody/stypendium za wyniki w nauce i/lub działalność naukową
- Udział w badaniach wykorzystujących sekwencjonowanie nowej generacji, badania transkryptomyczne
- Doświadczenie w zastosowaniu technik takich jak: immunoprecypitacja chromatyny, CLIP (ang. UV cross-linking and immunoprecipitation) i/lub pochodnych

**Rekrutacja:**

Zgłoszenie należy kierować pocztą elektroniczną na adres: [mtRNA.sonata@gmail.com](mailto:mtRNA.sonata@gmail.com) do 13 listopada 2016 r. Na podstawie otrzymanych CV zostaną wyłonieni kandydaci z którymi odbędą się rozmowy kwalifikacyjne. Rozmowy odbędą się najpóźniej do 30 listopada 2016 r. Zastrzegamy sobie prawo do kontaktu tylko z wybranymi osobami.

**Zgłoszenie musi zawierać:**

**CV – plik formatu pdf o nazwie według schematu: Nazwisko\_Imię\_CV (np. Szczęsny\_Roman\_CV).**

W CV zalecamy zawarcie informacji, które wskazywałyby na spełnienie kryteriów „wymaganych” i tych stanowiących dodatkowy atut. Interesuje nas m.in. w jakich projektach kandydat/ka uczestniczył/a (w kilku zdaniach można opisać jeden z nich), jakich metod badawczych używał/a. Jeśli kandydat/ka posiada dorobek naukowy prosimy o wskazanie maksymalnie 3 najważniejszych publikacji. Można wskazać osobę, która mogłaby scharakteryzować kandydata/kę.

W przypadku chęci załączenia listu referencyjnego, listu motywacyjnego lub innych podobnych informacji prosimy połączyć je z plikiem pdf zawierającym CV – przesłać tylko jeden plik pdf: Nazwisko\_Imię\_CV.

W CV prosimy o dopisanie następującej klauzuli: „Wyrażam zgodę na przetwarzanie moich danych osobowych zawartych w mojej ofercie pracy dla potrzeb niezbędnych do realizacji procesu rekrutacji (zgodnie z ustawą z dn. 29.08.97 o Ochronie Danych Osobowych DZ. Ust. z 2002r. Nr 101, poz. 926 z późn. zm.)”.